

دانشور

پژوهشگی

بررسی بیان ژن‌های اختصاصی کاردیومیوسیت‌های اولیه در اجسام جنینی سیستم قلبی-عروقی

نویسنده: اکرم سادات طباطبائی‌پناه

گروه زیست‌شناسی، دانشگاه آزاد اسلامی- واحد تهران شرق، تهران، ایران

E-mail: tabatabaeipanah@gmail.com * نویسنده مسئول: اکرم سادات طباطبائی‌پناه

چکیده

مقدمه و هدف: سلول‌های بنیادی جنینی انسانی^۱ (hESC) در محیط آزمایشگاهی می‌توانند به کاردیومیوسیت‌های ضربان دار تبدیل شده و مدلی را به وجود آورند که بتوان مراحل اولیه تکاملی این سیستم را بررسی نمود. زمانی که این سلول‌ها از لایه مغذی خود جدا می‌شوند، hESC‌ها اجسام جنینی^۱ (EB) را به وجود می‌آورند که پس از کشت، نواحی از سلول‌های ضربان دار را به وجود می‌آورند. هدف از انجام این تحقیق، بررسی و مطالعه زمان بیان ژن‌های قلبی در طی ایجاد قلب است.

مواد و روش‌ها: پس از کشت سلول‌های بنیادی، استخراج mRNA کاردیومیوسیت‌های اولیه در زمان‌های مختلف پس از تمایز انجام شد. بیان ژن‌های اختصاصی کاردیومیوسیت‌ها به نام OCT-4, CD-34, ANF, MLC-2v, MLC-2a, F.LK1 (Vegfr-2/KDR), Alpha-cardiac actin, Brachyury-34 و F.LK1 (Vegfr-2/KDR) انسانی^۱ (hEB) از طریق RT-PCR مورد بررسی قرار گرفت.

نتایج: بیان ژن‌های CD-34 و Brachyury در EB از روز ۲۱ افزایش می‌یابد. بیان ژن OCT-4 در ۵ روزه مشاهده شد. بیان ژن Alpha-cardiac actin از روز ۱۰ افزایش می‌یابد. بیان ژن F.LK1 (Vegfr-2/KDR) برای اولین بار در ۱۰ روزه مشاهده گردید و در روز ۱۴ به شدت افزایش یافت. افزایش بیان ژن MLC-2a و MLC-2v از روز ۲۰ و ژن ANF از روز ۴۵ در EB مشاهده گردید.

نتیجه‌گیری: سلول‌های بنیادی جنینی انسانی ابزاری مفید جهت بررسی تکامل و عملکرد سیستم قلبی-عروقی هستند.

دوماهنامه علمی-پژوهشی
دانشگاه شاهد
سال بیست و پنجم-شماره ۱۳۱
آبان ۱۳۹۶

دریافت: ۱۳۹۶/۰۶/۰۱
آخرین اصلاح‌ها: ۱۳۹۶/۰۷/۱۹
پذیرش: ۱۳۹۶/۰۷/۲۶

واژگان کلیدی: سلول بنیادی جنینی انسان، اجسام جنینی، کاردیومیوست.

مقدمه

بیان ژن قلبی در EB تمايزیافته با استفاده از سلول‌های ES موشی به‌طور گستره موردمطالعه قرار گرفته است. کاردیومیوسیت‌های مشتق شده از سلول‌های ES، mRNA ژن‌های اختصاصی قلب را به صورت یک فرایند تکاملی کنترل شده بیان می‌کنند. اطلاعات کمی در مورد ژن‌ها و پیام‌های مولکولی دخیل در تکامل قلب جنینی انسانی موجود است(۱۷، ۲۲).

عدم توانایی قلب در پمپ کافی خون جهت حفظ عملکردهای فیزیولوژیکی باعث ایجاد نارسایی قلبی که یکی از معمول‌ترین بیماری‌های قلبی-عروقی در جهان است، می‌گردد. بیماری قلبی به‌وسیله کاهش عملکرد کاردیومیوسیت‌ها به وجود آمده که باعث نارسایی قلبی می‌گردد. از آنجاکه کاردیومیوسیت‌های بالغ قابلیت بازتولید ندارند، تنها درمان مؤثر بیمارانی که دچار نارسایی قلبی شدید هستند پیوند عضو است.

مطالعات حیوانی در دهه گذشته باعث به وجود آمدن شواهد زیادی در رابطه با پیوند کاردیومیوسیت‌های جداسازی شده یا به عبارت دیگر کاردیومیوپلاستی^۱ گردید که می‌تواند یک راهکار جایگزین برای درمان نارسایی شدید قلبی باشد. اگرچه بسیاری از مطالعات حیوانی پیوند موفق میوسیت‌های قلبی به قلب بالغ را نشان می‌دهند(۳، ۱۳، ۱۴، ۱۹)، فاکتور محدود کننده درمان بیماری‌های قلبی-عروقی، تعداد ناکافی سلول‌های منتقل‌شونده است. به علت وجود مسائل اخلاقی، درمان نارسایی قلبی در انسان‌ها به‌وسیله کاردیومیوپلاستی امکان‌پذیر نیست. بنابراین در سال‌های گذشته بسیاری از تلاش‌ها در جهت ایجاد راهکارهای تمايز کاردیومیوسیت‌های اولیه از سلول‌های بنیادی جنینی و انتخاب رده سلولی متمن‌کرده است(۲۴).

در طی جنین‌زایی، اولین سیستمی که تشکیل می‌گردد سیستم قلبی-عروقی است که این فرایند به‌وسیله میانکنش با سلول‌های هایپوبلاستیک اندودرم اولیه آغاز می‌گردد(۹). سلول‌های بنیادی جنینی (ES) جدآشده از توده سلولی داخلی^۲ بلاستوسیست‌ها می‌توانند به عنوان لایه سلولی زیایی مداوم مورداستفاده قرار بگیرند(۴، ۲۰).

سلول‌های ES قابلیت ساخته‌شدن مجدد خود را به مدت طولانی حفظ می‌کنند و ظرفیت تشکیل بافت‌های مختلف را دارند(۴، ۲۰). سلول‌های ES موشی، مدلی را جهت بررسی مراحل اولیه تکامل قلب به وجود آورده‌اند(۵، ۸، ۱۶) و مطالعات اخیر این مطلب را در مورد سلول‌های ES‌های انسانی نیز نشان داده‌اند(۷، ۱۱، ۱۲، ۱۵، ۲۱). برداشت سلول‌های متمایز نشده از لایه مغذی و کشت آن‌ها در سوسپانسیون باعث تشکیل اجسامی جنین مانند می‌شوند که اجسام جنینی (EB) نامیده می‌شوند(۱۰) و ممکن است به‌طور خود به خودی به سلول‌هایی با ویژگی‌های کاردیومیوسیتی متمایز شوند.

این سلول‌ها زمانی که در پلیت کشت قرار می‌گیرند، ممکن است به‌طور خود به خودی نواحی ضربان دار ایجاد کنند(۷، ۱۲، ۲۱) که این نواحی دارای سلول‌هایی هستند که ویژگی‌های ساختاری و عملکردی مراحل ابتدایی کاردیومیوسیت‌ها را دارند(۱۲). تمايز بیشتر کاردیومیوسیت‌ها از سلول‌های hES ممکن است از طریق کاهش حجم EB کشت‌شده(۲۱) یا به‌وسیله تیمار سلول‌ها با ترکیب ۵-آزا-دوکسی سایتیدین بوجود آید(۲۱). بعلاوه، تمايز کاردیومیوسیت‌های مشتق شده از سلول‌های hES از طریق کشت هم‌زمان با سلول‌های اندودرم نیز امکان‌پذیر است(۶، ۱۵، ۲۳). چنین سیستم کشت هم‌زمانی نیازی به تشکیل EB جهت تولید کاردیومیوسیت‌ها ندارد.

^۱. Cardiomyoplasty

^۲. Inner cell mass

مواد و روش‌ها

کشت سلول

سلول‌های بنیادی شمارش و درصد حیات آن‌ها به روشن tripan blue exclusion مشخص شد. سپس در محیط کشت DMEM حاوی ۲۰٪ FBS کشت داده شده و تکثیر یافتند. اجسام جنینی در سوسپانسیون به مدت یک هفته رشد داده شده و سپس به پلیت‌های ۲۴ خانه پوشیده شده با ژلاتین منتقل شدند، به‌طوری‌که هر جسم جنینی در یک خانه قرار گرفت. هر جسم جنینی به‌طور متوسط دارای ۱۰۰۰۰ سلول بود.

تعیین نواحی ضربان دار

پلیت‌ها روزانه توسط میکروسکوپ بررسی و نواحی ضربان دار خودبه‌خودی EB تعیین شد.

mRNA استخراج

استخراج mRNA کاردیومیوسمیت‌های اولیه در اجسام جنینی رشد یافته در سوسپانسیون در زمان‌های مختلف با استفاده از کیت استخراج mRNA (Invitrogen, California, USA) انجام گرفت.

mRNA از روی cDNA ساخت

تولید cDNA با توجه به نحوه دستورالعمل کیت (Invitrogen, California, USA) با استفاده از پرایمرهای mRNA-dT انجام شد. ابتدا با توجه به میزان جذب الگو-*T* نمونه، مقداری از mRNA برداشته می‌شود که از هر نمونه، مقداری از mRNA باشد. این حجم به یک حاوی ۱ میکروگرم از mRNA میکروتیوب ۰/۲ میلی لیتری انتقال داده شد و سپس با آب مقطر به حجم ۱۰ میکرولیتر رسید. سپس میکروتیوب حاوی mRNA در دستگاه ترموسایکلر به مدت ۳ تا ۲/۵ دقیقه در حرارت ۹۰°C قرار گرفت. این کار باعث می‌شود تا پیچ‌خوردگی‌های mRNA باز شود.

پس از گذشت این زمان میکروتیوب بلافارسله در ظرف پیچ قرار گرفت تا دوباره حالت پیچ‌خوردگی در mRNA برقرار نشود.

RT-PCR

Alpha-cardiac, *Brachury*, *OCT-4*, *CD-34*, *MLC-2v*, *MLC-2a*, *ANF*, *FLK1*, *Vegfr-2/KDR*, *actin* همچنین زن گلیسر آلدئید ۳-فسفات دهیدروژناز (*GAPDH*) ارزیابی گردید. نحوه انجام PCR با توجه به مطالعات قبلی در این مطالعه صورت گرفت (۶). توالی و غلظت پرایمرهای (تکاپو زیست، ایران) در جدول ۱ ارائه شده است.

غلظت‌های مورداستفاده در این مطالعه عبارت بودند از: بافر PCR (۱۰ x)، (۲۵ mM)Mgcl₂, (۱۰ mM)dNTP, (۱۰ U/μl) Taq polymerase (۵ μl) (که همگی از شرکت Roche, Germany بودند).

مراحل PCR به شکل زیر انجام شد: ۹۵°C به مدت ۲ دقیقه (۱ چرخه)، ۹۵°C به مدت ۱ دقیقه، دمای اتصال اختصاصی هر پرایمر (جدول ۱) به مدت ۱ دقیقه، ۷۲°C به مدت ۱ دقیقه (۴ چرخه) و ۷۲°C به مدت ۵ دقیقه (۱ چرخه). همه نمونه‌ها با *GAPDH* مقایسه گردیدند.

پس از انجام PCR نمونه‌ها به روی ژل آگارز ۰/۲ برده شدند و نتیجه موردنبررسی قرار گرفت. روش ارزیابی در این مطالعه به صورت نیمه کمی بود به‌این‌ترتیب که عکس‌های حاصل از این ژل‌ها را پس از اسکن در کامپیوتر با نرم‌افزار Lab works مورد ارزیابی قرار داده و بر اساس شدت باند حاصل از زن‌ها عدد نسبی به دست آمد.

جدول ۱. غلظت و توالی پرایمرهای مورد استفاده

ژن	نوع پرایمر	دماهی اتصال پرایمر	غلظت پرایمر	توالی پرایمر
<i>CD-34</i>	Forward	۶۰°C	(10 pmol/µl)	5'CATCACAGAAACGACAGTCAA-3'
	Reverse			5'ACTCCGCACAGCTGGAGG-3'
<i>OCT-4</i>	Forward	۵۹°C	(10 pmol/µl)	5'TAGGTGAGCCGTCTTCCAC3'
	Reverse			5'GCTTAGCCAGGTTCGAGGAT3'
<i>Brachyury</i>	Forward	۶۰°C	(10 pmol/µl)	5'GCTTCAGGAGCTAACGAG 3'
	Reverse			5'CCAGCAAGAAAGAGTACATGGC 3'
<i>Alpha-cardiac actin</i>	Forward	۶۰°C	(10 pmol/µl)	5'GCCCTCCTCATTTAAAGCTC3'
	Reverse			5'AACACCACTGCTCTAGCCACG3'
<i>FLK1 Vegfr-2/KDR</i>	Forward	۵۶°C	(10 pmol/µl)	5'TCTCAATGTGGTCAACGTTAGG3'
	Reverse			5'CTTCCCTCAGGCAGTGC3'
<i>ANF</i>	Forward	۶۱°C	(10 pmol/µl)	5'GAACCAGAGGGGAGAGACAGA3'
	Reverse			5'CCCTCAGCTTGCTTTTAGGAG3'
<i>MLC-2a</i>	Forward	۵۹°C	(10 pmol/µl)	5'GAGGAGAATGGCCAGCAGGAA3'
	Reverse			5'CGAACATCTGCTCCACCTCA3'
<i>MLC-2v</i>	Forward	۵۸/۵°C	(10 pmol/µl)	5'GCCCAACTCCAACGTGTTCT3'
	Reverse			5'GTGATGATGTGCAACCAGGTTTC3'
<i>GAPDH</i>	Forward	۶۰°C	(10 pmol/µl)	5'CATGACCAAGTCCATGCCATCACT 3'
	Reverse			5'TGAGGTCCCCACCCTGTTGCTGTA 3'

نتایج

بیان *Alpha-cardiac actin*, *Brachyury*, *CD-34*, *OCT-4*، *MLC-2a*، *ANF*, *FLK1*, *Vegfr-2/KDR* کاردیومیوسیت‌های اولیه در اجسام جنینی رشد یافته در سوپاپسیون در زمان‌های مختلف موربدبررسی قرار گرفت. mRNA از هر جسم جنینی جداسازی گردید و به دنبال آن RT-PCR انجام گرفت و با ژن *GAPDH* از همان نمونه کنترل گردید.

نتایج نشان داد که بیان اولیه *CD-34* در اجسام جنینی ۷ روزه مشاهده گردید که بهشدت در روز ۲۱ افزایش یافت. بیان اولیه و شدت بیان *OCT-4* در اجسام جنینی ۵ روزه مشاهده گردید که بهشدت در روز ۳۰ کاهش یافت. همچنین بیان اولیه *Brachyury* در اجسام جنینی ۱ روزه مشاهده گردید که بهشدت در روز ۲۱ افزایش یافت. بیان اولیه *FLK1* (*Vegfr-2/KD*) در اجسام جنینی ۴ روزه مشاهده گردید که بهشدت در روز ۱۴ افزایش یافت. بیان اولیه *Alpha-cardiac actin* در اجسام جنینی ۲ روزه مشاهده گردید که بهشدت در روز ۱۰ افزایش یافت. بیان اولیه *MLC-2a* در اجسام جنینی ۱ روزه مشاهده گردید که بهشدت در روز ۱۵ افزایش یافت. بیان اولیه *MLC-2v* در اجسام جنینی ۳ روزه مشاهده

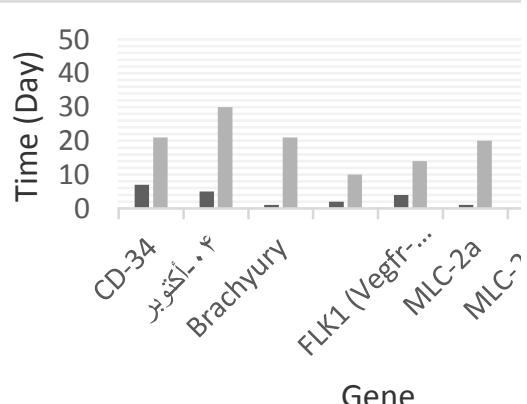
مشاهده روزانه وجود ضربان در اجسام جنینی نشان داد که یک روز پس از کشت، ۴٪ از آن‌ها دارای ضربان خود به خودی بودند. بیشتر اجسام جنینی پس از گذشت ۱۷ روز ضربان دار شدند. ضربان در برخی از اجسام جنینی از روز ۲۸ آغاز گردید. نواحی ضربان دار در بینایی جنینی انسانی که پس از ذوب شدن بیشتر از ۱۰ بار پاساژ داده شده بودند نسبت به حدود ۱۰٪ در چند پاساژ اولیه افزایش نشان داد. نواحی ضربان دار حدود ۰/۱-۱/۱ mm قطر داشته و در حاشیه‌ها قرار گرفته بودند. نواحی ضربان دار در محیط کشت بهشدت تا ۴ ماه و به میزان 100 ± 10 ضربان در دقیقه ادامه یافت اما این نواحی رشد بیشتری نداشتند. گاهی اوقات رشد بیش از حد سلول‌های دیگر که از جسم جنینی متمایز شده‌اند با ضربان این نواحی تداخل می‌کنند. به دلیل ایجاد شدن توانایی در تشخیص نواحی ضربان دار با گذشت زمان، این نواحی به طور مکانیکی هر ۷-۱۴ روز جداسازی شده و دوباره در پلیت‌ها قرار داده شدند.

استفاده از سلول‌های hES، میانگینی از ۲۱/۵ درصد از EB‌ها، نواحی انقباضی را به وجود می‌آورند. این موضوع نشان می‌دهد که کشت‌های قدیمی که بیشتر از ده پاساز پس از ذوب شدن رشد می‌کنند و همچنین میزان کم EB‌های کم پلیت شده با درصد بالای نواحی ضربان دار درون EB در ارتباط است. در این مطالعه پس از ۷ روز کشت در سوسپانسیون، EB‌ها به‌طور جداگانه بر روی دیش‌های کشت پوشیده شده با ژلاتین قرار داده شدند. یک تا هفت ناحیه ضربان دار از روز ۸ تا ۲۱ کشت به وجود آمد. این نواحی با شدت ضربان خود را در کشت تا پس از ۴ ماه (طولانی‌ترین مدت مورد مطالعه) به‌طور متوسط 99 ± 8 ضربان در دقیقه ادامه دادند.

با استفاده از RT-PCR و تشخیص مورفو‌لولژیکی بافت ضربان‌دار، سلول‌های ضربان دار خودبه‌خودی ویژگی‌هایی شبیه به کاردیومیوسیت‌هایی که قبلاً از سلول‌های ES موشی به‌دست‌آمده بود، نشان دادند. بعلاوه این مطالعه الگوی بیان ژن‌های خاص کاردیومیوسیتی در EB تولیدشده نشان داد. نتایج ما نشان داد که سلول‌های مشتق شده از نواحی ضربان‌دار hEB پروتئین‌های درون‌سلولی قلبی را بیان کرده و ساختاری سارکومری دارد. سلول‌های منفرد و سلول‌های شبکه کاردیومیوسیتی در بخش‌های نواحی ضربان‌دار هیستولوژی شبیه به کاردیومیوسیت‌ها را نشان داد. هسته‌های گرد یا بیضی، عموماً دو هسته‌ای در مرکز قرار گرفته بودند. سلول‌های جداشده ساختار سلولی کاردیومیوسیتی ظاهری دوکی شکل، گرد، سه گوشه یا چند هسته‌ای داشته که شبیه به کاردیومیوسیت‌های جنین‌های موشی، میوکاردیوم بالغ موش و EB ضربان‌دار موشی بودند.

نواحی ضربان دار مشتق شده از سلول‌های hES ژن‌های متعدد اختصاصی کاردیومیوسیت‌ها را بیان کرده که این ژن‌ها تکامل کاردیومیوسیت‌ها را از سلول‌های پیش‌ساز قلبی ابتدایی تا سلول‌های کاملاً تمایز یافته، باعث می‌شوند.

گردید که به‌شدت در روز ۴۵ افزایش یافت. همچنین بیان اولیه ANF در اجسام جنینی ۱ روزه مشاهده گردید که به‌شدت در روز ۲۰ افزایش یافت (شکل ۱).



شکل ۱. بیان OCT-4، CD-34 و Brachyury. CD-34, OCT-4, FLK1 Vegfr-2/KDR Alpha-cardiac actin, Brachyury 4 ANF در کاردیومیوسیت‌های اولیه در اجسام جنینی رشد یافته در سوسپانسیون در زمان‌های مختلف

بحث

درصد نواحی ضربان دار در اجسام جنینی مشتق شده از سلول‌های بنیادی جنینی انسانی که پس از ذوب شدن بیشتر از ۱۰ بار پاساز داده شده بودند نسبت به حدود ۱۰٪ در چند پاساز اولیه افزایش نشان داد. از آنجاکه سلول‌های بنیادی جنینی انسانی نسبت به ترکیبات محیط کشت حساس بوده و نسبتاً قدرت زیست خود را پس از انجماد از دست می‌دهند، آغاز دیرهنگام ضربان احتمالاً به علت بازیابی آهسته ویژگی‌های فیزیولوژیکی سلول‌ها پس از ذوب شدن می‌باشد.

استفاده از قابلیت‌های عملکردی کاردیومیوسیت‌های مشتق شده از سلول‌های hES در گذشته موردمطالعه قرار گرفته است. پتانسیل استفاده درمانی از این کاردیومیوسیت‌ها، زیاد بوده که از جمله می‌توان به استفاده پیوندی از آن‌ها جهت بهبود یا درمان نارسائی میوکاردیال اشاره نمود. این سلول‌ها ابزار جدیدی را جهت کشف تمایز کاردیومیوسیت‌ها و ژن‌ها و فاکتورهای دخیل در این فرایند به وجود می‌آورند.

به عنوان یک مارکر زودهنگام و مفید برای کاردیومیوست ها شناخته می شود (۱۹). این ژن یک مارکر سلول‌های غیر تمایزیافته است و این مسئله، ناپدید شدن سلول‌های غیر تمایزیافته را به عنوان ادامه فرایند تمایز نشان می دهد. درصد مارکر تمایزیافته را به عنوان ادامه فرایند تمایز نشان می دهد. درصد مارکر OCT-4 با ادامه رشد محیط کشت تغییری نداشت.

بیان اولیه *Brachyury* در اجسام جنینی ۱ روزه مشاهده گردید که به شدت در روز ۲۱ افزایش یافت. *Brachyury* مارکری برای تشخیص تمایز ضروری است که در گاسترولاسیون بیان می شود و در مراحل بعدی در نوتوکورد مشاهده می گردد. این ژن همان‌طور که تمایز پیش می رود به عنوان یک مارکر مزودرمی بیانش در موش افزایش می یابد. ژن *Brachyury* به طور کلی به عنوان یک مارکر شکل‌گیری مزودرم اولیه شناخته می شود که به شکل ناپایدار در مزودرم در حال پیدایش و مزودرم اولیه در حال مهاجرت بیان می گردد (۲۱). به طور کلی نتایج ما نشان داد که *Brachyury* مارکری است که در EB ۲۱ روزه، بیشترین افزایش بیان را نشان می دهد. بررسی‌های محققین دیگر افزایش بیان این ژن را در روز ۲۱ نشان داد که کاملاً با نتایج این مطالعه منطبق است.

(*FLKI*) (Vegfr-2/KDR) به عنوان یک مارکر سلولی برای سلول‌های اندوتیال سیستم عروقی و پیش ساز آن‌ها مورد استفاده قرار می گیرد. بیان این ژن نقش مهمی در نمو عروقی جنین‌های موش بازی می کند. نتایج *FLKI* (Vegfr-2/KDR) در سلول‌های hES تمایز نیافته بیان می شود و خیلی آهسته در طی تمایز، افزایش پیدا می کند. این ژن افزایش بیان را در روز ۱۴ نشان داد. نتایج سایر محققین نشان می دهد که ژن (*FLKI*) (Vegfr-2/KDR) در روز ۱، ۲۵ درصد، در روز ۷، ۸۰ درصد و در روز ۲۱، ۱۰۰ درصد افزایش بیان داشته است (۲۱) که به نتایج ما نزدیک است.

بیان اولیه *Alpha-cardiac actin* در اجسام جنینی ۲ روزه مشاهده گردید که به شدت در روز ۱۰ افزایش یافت.

ایجاد سیستم تمایزی کاردیومیوسیتی مشتق شده از hES می تواند به عنوان یک ابزار بالقوه جدید برای درک تکامل و عملکرد قلب و همچنین طراحی راهکارهای جدید درمانی ممکن مورداستفاده قرار بگیرد و سلول‌های hES همچنین منبع مناسبی برای پیوند سلولی هستند. در موش سلول‌های ES که با یک وکتور دارای پرومотор مقاوم به نئومایسین آلوده شده است. سلول‌هایی را به وجود می آورند که به قلب موش پیوند زده شده و نشانی از بهبود عملکرد آن دارد. علوم ناشی از چنین مطالعاتی می تواند جهت ساخت حامل‌هایی برای انتخاب کاریومیوسیت‌ها و ارزیابی زمان خاص موردنیاز برای چنین انتخابی را به وجود آورد.

CD-34 به عنوان یک مارکر رگ زایی اولیه موش در سلول‌های اجدادی و سلول‌های بنیادی هماتopoیتیک و اندوتیال بیان می شود و همراه با رشد محیط کشت، بیانش افزایش می یابد. این ژن افزایش بیان را در روز ۲۱ نشان داد.

مطالعات دیگر محققین نشان داده که *CD-34* در تمایز EB انسان افزایش یافته و به روزهای ۱۳-۱۵ می رسد. همچنین نشان داده شده است که این ژن در hEB افزایش معنی‌داری دارد (۱۹، ۲۲). به طور کلی نتایج ما نشان داد که *CD-34* مارکری است که در EB ۲۱ روزه، بیشترین افزایش بیان را نشان می دهد. ما در روزهای ۱۵-۱۳ که سایر محققین اشاره به بیان این ژن دارند نیز بیان مشاهده کردیم؛ اما بیشترین بیان را در روز ۲۱ بدست آوردیم. نتایج این مطالعه، نتایج سایر محققین را تائید می کند.

بیان اولیه *OCT-4* در اجسام جنینی ۵ روزه مشاهده گردید که به شدت در همان روز ۵ افزایش یافت. تعداد ۱۰ جسم جنینی در سوسپانسیون در زمان‌های مختلف جمع آوری گردید. نتایج نشان داد که *OCT-4* با گذشت زمان در EB تمایزیافته، قابل مشاهده است و بیشتر در روز ۵ افزایش یافته و در روز ۳۰ کم می شود. نتایج سایر محققین هم این مسئله را تائید کرد (۲۱). در بیشتر مطالعات، *OCT-4* در روز ۵ افزایش بیان داشته است و

جنین‌های موش بازی می‌کند. سلول‌های hES تمایز نیافته بیان می‌شود و خیلی آهسته در طی تمایز، افزایش پیدا می‌کند. این ژن افزایش بیان را در روزهای ۲۰ نشان داد. نتایج سایر محققین نشان می‌دهد که ژن *ANF*, در روز ۱، ۲۵ درصد، در روز ۱۰، ۸۰ درصد و در روز ۱۸، ۱۰۰ درصد افزایش بیان داشته است (۲۱) که به نتایج ما نزدیک است.

در مجموع، دسترسی به رده‌های سلولی hES دریچه‌ای نو رو به امکان‌پذیر شدن مطالعه تکامل قلب انسانی و بیان ژن‌های جدید در طی تکامل جنبه‌گشوده است (۱۸، ۲۳، ۲۰). به‌طور خاص، تحقیقات در این رابطه باعث بیشتر شدن انگیزه بررسی پتانسیل سلول‌های hES جهت تولید بافت‌های قلبی جدید با اهداف درمانی گردیده است. این سلول‌ها می‌توانند به روشن شدن فرایندهای پیچیده دخیل در تکامل قلب انسان و ایجاد یک سیستم سلولی مناسب جهت مطالعه تکامل و تمایز بافت‌ها در شرایط آزمایشگاهی (*in vitro*) کمک کرده و ممکن است سرانجام باعث ایجاد قابلیت تولید سلول‌های انسانی تمایزیافته با اهداف درمانی گردد.

نتیجه‌گیری

با توجه به اهمیت استفاده از سلول‌های بنیادی در درمان بیماری‌هایی مانند نارسائی‌های قلبی که درمان آن‌ها ناممکن و یا بسیار مشکل است، کاربرد این سلول‌ها می‌تواند کمک شایانی به دورنمای درمان این بیماری‌ها کند. این مطالعه یک مدل آزمایشگاهی (*in vitro*) جهت بررسی و مطالعه زمان بیان ژن‌های قلبی *FLK1*, *Alpha-cardiac actin*, *Brachyury*, *OCT-4*, *CD-34*, *MLC-2a*, *ANF*, *Vegfr-2/KDR* در طی ایجاد قلب است. این ژن‌ها به‌عنوان مارکرهای سلولی برای سلول‌های اندوتیال سیستم عروقی و پیش‌سازهای آن انتخاب شده است.

به‌طور کلی می‌توان گفت کاردیومیویست‌های بدست آمده درکشت حاصل از سلول‌های hES به دنبال دور تکاملی جنبه‌های انسانی را تقلید کرده و بنابراین می‌تواند به‌عنوان یک سیستم مدلی مؤثر جهت درک

نتایج نشان داد که باگذشت زمان در EB تمایزیافته، افزایش پیدا می‌کند. این افزایش بیشتر در روزهای ۱۰-۲۰ مشاهده گردید. نتایج سایر محققین هم این مسئله را تأیید کرد. در بیشتر مطالعات، *Alpha-cardiac actin* در روز ۱۰ افزایش بیان داشته است و به‌عنوان یک مارکر زودهنگام و مفید برای کاردیومیوست‌ها شناخته می‌شود (۲۱). مطالعات نشان می‌دهند که همان‌طور که کاردیومیوست‌ها در این مرحله تمایز، تکثیر پیدا می‌کند، *Alpha-cardiac actin* تکثیر شده و این تکثیر احتمالاً ناشی از افزایش در سلول‌های عضله قلبی در EB بوده است (۱۹).

MLC-2a به‌عنوان یک مارکر سلولی برای سلول‌های اندوتیال سیستم عروقی و پیش‌ساز آن‌ها مورداستفاده قرار می‌گیرد. بیان این ژن نقش مهمی در نمو عروقی جنبه‌گشوده است. *MLC-2a* در سلول‌های hES تمایز نیافته بیان می‌شود و خیلی آهسته در طی تمایز، افزایش پیدا می‌کند. این ژن افزایش بیان را در روز ۲۰ نشان داد. نتایج سایر محققین نشان می‌دهد که ژن *MLC-2a* در روز ۱، ۲۵ درصد، در روز ۱۰، ۸۰ درصد و در روز ۱۵، ۱۰۰ درصد افزایش بیان داشته است (۲۱).

نتایج نشان داد که باگذشت زمان در EB تمایزیافته، افزایش پیدا می‌کند. این افزایش بیشتر در روزهای ۴-۳۵ مشاهده گردید. نتایج سایر محققین هم این مسئله را تأیید کرد. در بیشتر مطالعات، *MLC-2v* در روز ۴ افزایش بیان داشته است و به‌عنوان یک مارکر زودهنگام و مفید برای کاردیومیوست‌ها شناخته می‌شود (۲۱). مطالعات نشان می‌دهند که همان‌طور که کاردیومیوست‌ها در این مرحله تمایز، تکثیر پیدا می‌کند، *MLC-2v* هم تکثیر شده و این تکثیر احتمالاً ناشی از افزایش در سلول‌های عضله قلبی در EB بوده است (۱۹).

ANF, به‌عنوان یک مارکر سلولی برای سلول‌های اندوتیال سیستم عروقی و پیش‌ساز آن‌ها مورداستفاده قرار می‌گیرد. بیان این ژن نقش مهمی در نمو عروقی

ناممکن و یا بسیار مشکل است، کاربرد این سلول‌ها می‌تواند کمک شایانی به دورنمای درمان این بیماری‌ها کند. آن‌ها همچنین ابزار بالقوه‌ای را در زمینه‌هایی چون ساخت و تست داروهای تکامل اولیه قلب و درمان بالینی مبتنی بر پیوند سلولی و مهندسی بافت به وجود می‌آورند.

سپاسگزاری

نویسنده‌گان از دانشگاه آزاد اسلامی - واحد تهران شرق جهت حمایت مالی از این پژوهه تقدیر و تشکر می‌نمایند.

منابع

1. Antin PB, Taylor RG, Yatskiewich T. Precardiac mesoderm is specified during gastrulation in quail. *Developmental Dynamics* 1994; 2:4-14.
2. Boheler KR, Czyz J, Tweedie D, Yang HT, Anisimov SV, Wobus AM. Differentiation of pluripotent embryonic stem cells into cardiomyocytes. *Circulation Research* 2002; 91:189-201.
3. Delcarpio JB, Claycomb WC. Cardiomyocyte transfer into the mammalian heart. Cell-to-cell interactions in vivo and in vitro. *Annals of the New York Academy of Sciences* 2008; 752:267-85.
4. Evans MJ, Kaufman MH. Establishment in culture of pluripotential cells from mouse embryos. *Nature* 1981; 292:154-6.
5. Grepin C, Nemer G, Nemer M. Enhanced cardiogenesis in embryonic stem cells overexpressing the GATA-4 transcription factor. *Development* 1997; 124:2387-95.
6. Segev H, Kenyagin-Karsenti D, Fishman B, Gerecht-Nir S, Ziskind A, Amit M, et al. Molecular analysis of cardiomyocytes derived from human embryonic stem cells. *Development Growth & Differentiation* 2005; 47:295-306.
7. He JQ, Ma Y, Lee Y, Thomson JA, Kamp TJ. Human embryonic stem cells develop into multiple types of cardiac myocytes: action potential characterization. *Circulation* 2003; 93:32-9.
8. Hescheler J, Fleischmann BK, Lentini S, Maltsev VA, Rohwedel J, Wobus AM, et al. Embryonic stem cells: a model to study structural and functional properties in cardiomyogenesis. *Cardiovascular Research* 1997; 36:149-62.
9. Icardo JM. Developmental biology of the vertebrate heart. *Journal of Experimental Zoology* 1996; 275:144-61.
10. Itskovitz-Eldor J, Schuldiner M, Karsenti D, Eden A, Yanuka O, Amit M, et al. Differentiation of human embryonic stem cells into embryoid bodies compromising the three embryonic germ layers. *Molecular Medicine* 2000; 6:88-95.
11. Kehat I, Gepstein A, Spira A, Itskovitz-Eldor J, Gepstein L. High-resolution electrophysiological assessment of human embryonic stem cell-derived cardiomyocytes: a novel in vitro model for the study of conduction. *Circulation Research* 2002; 91:659-6.
12. Kehat I, Kenyagin-Karsenti D, Smr M, Segev H, Amit M, Gepstein A, et al. Human embryonic stem cells can differentiate into myocytes with structural and functional properties of cardiomyocytes. *Journal of Clinical Investigation* 2001; 108:407-14.
13. Koh GY, Soonpaa MH, Klug MG, Field LJ. Long-term survival of AT-1 cardiomyocyte grafts in syngeneic myocardium. *American Journal of Physiology* 1993; 264:1727-33.
14. Koh GY, Soonpaa MH, Klug MG, Pride HP, Cooper BJ, Zipes DP, et al. Stable fetal cardiomyocyte grafts in the hearts of dystrophic mice and dogs. *Journal of Clinical Investigation* 1995; 96:2034-42.
15. Mummery C, Ward-van Oostwaard D, Doevedans P, Spijker R, van den Brink S, Hassink R, et al. Differentiation of human embryonic stem cells to cardiomyocytes: role of coculture with visceral endoderm-like cells. *Circulation* 2003; 33:27-40.
16. Narita N, Bielinska M, Wilson DB. Cardiomyocyte differentiation by GATA-4-deficient embryonic stem cells. *Development* 1997; 124:3755-64.
17. Olson EN, Srivastava D. Molecular pathways controlling heart development. *Science* 1996; 272:671-6.
18. Reubinoff BE, Pera MF, Fong CY, Trounson A, Bongso A. Embryonic stem cell lines from human blastocysts: somatic differentiation in vitro. *Nature Biotechnology* 2000; 18:399-404.
19. Roell W, Lu ZJ, Bloch W, Siedner S, Tiemann K, Xia Y, et al. Cellular cardiomyoplasty improves survival after myocardial injury. *Circulation* 2002; 105:2435-41.
20. Thomson JA, Itskovitz-Eldor J, Shapiro SS, Waknitz MA, Swiergiel JJ, Marshall VS, et al. Embryonic stem cell lines derived from human blastocysts. *Science* 1998; 282:1145-7.
21. Xu C, Police S, Rao N, Carpenter MK. Characterization and enrichment of cardiomyocytes derived from human embryonic stem cells. *Circulation Research* 2002; 91:501-8.
22. Chicha L, Feki A, Boni A, Irion O, Hovatta O, Jaconi M. Human Pluripotent Stem Cells Differentiated in Fully Defined Medium Generate Hematopoietic CD34+ and CD34- Progenitors with Distinct Characteristics. *PLoS One* 2011; 6: e14733.
23. Lian X, Bao X, Al-Ahmad A, Liu J, Wu Y, Dong W, et al. Efficient Differentiation of Human Pluripotent Stem Cells to Endothelial Progenitors via Small-Molecule Activation of WNT Signaling. *Stem Cell Reports* 2014; 3:804-16.
24. Toivonen S, Ojala M, Hyysalo A, Ilmarinen T, Rajala K, Pekkanen-Mattila M, et al. Comparative analysis of targeted differentiation of human induced pluripotent stem cells (hiPSCs) and human embryonic stem cells reveals variability associated with incomplete transgene silencing in retrovirally derived hiPSC lines. *Stem Cells Translational Medicine* 2013; 2:83-93.

Candidate gene expression of primary cardiomyocytes in cardiovasular embryoid bodies

Akram Sadat Tabatabaei Panah*

Department of Biology, Islamic Azad University, East Tehran Branch, Tehran, Iran.

* Corresponding author e-mail: tabatabaeipanah@gmail.com

Abstract

Background and Objective: Human embryonic stem cells (hESCs) can differentiate in vitro into spontaneously contracting cardiomyocytes and produce a model to investigate the early developmental stages of this system. After removing of cells from their feeder layer, hESCs create embryoid bodies (EB). Plating of EB results in developing areas of beating cells. In the present study, cardiomyocyte gene expression time-points during heart development was investigated.

Materials and Methods: After stem cell culture, cardiomyocyte's mRNA was extracted in different time-points after differentiation. The expression pattern of candidate genes CD-34, OCT-4, Brachyury, Alpha-cardiac actin, FLK1 (Vegfr-2/KDR), ANF, MLC-2a, and MLC-2v was analyzed in human EB (hEB) by RT-PCR.

Results: There was an enhanced expression of CD-34 from day 21 in EB in suspension. The OCT-4 gene expression was in 5-day-old EB and Brachyury expression was significantly increased by day 21. There was an enhanced expression of as Alpha-cardiac actin from day 10 in EB in suspension. The FLK1 (Vegfr-2/KDR) gene expression was first specified in 4-day-old EB and was significantly increased by day 14. There was an enhanced expression of MLC-2a and MLC-2v from day 20 and ANF by day 45 in EB in suspension.

Conclusion: hESCs might be useful as an effective model system for understanding the developmental processes and functioning of the human heart.

Key words: Human embryonic stem cell, Embryoid bodies, Cardiomyocyte.

Received: 23/08/2017

Last revised: 11/10/2017

Accepted: 18/10/2017